



RELEVAMIENTO DE LA MICROBIOTA PRESENTE EN EL AGROECOSISTEMA OLIVO DEL VALLE CENTRAL DE LA PROVINCIA DE CATAMARCA

González Vera C., Garay M., Laje F., Latorre-Mejía M. & Díaz Y.

Cátedra de Fitopatología Vegetal. FCA. UNCa.

✉ fitopal@yahoo.com.ar

Palabras Clave: hongos, identificación, enfermedades.

El cultivo del olivo (*Olea europaea* L.), tradicionalmente se ha desarrollado en regiones de clima mediterráneo, con veranos luminosos y relativamente secos, donde la incidencia de enfermedades ocasionadas por hongos es de relativa baja importancia. Sin embargo, el olivo es susceptible al ataque de numerosos patógenos que mantienen un frágil equilibrio con su huésped, sujeto a las condiciones climáticas del ambiente y a la actividad humana. Por ello, es necesario disponer de un catálogo donde se incluya a los parásitos del olivo, citando todo lo que puede ser causa de enfermedad, aunque por el momento no se conozca que tengan importancia económica. Algunos pueden ser parásitos ocasionales o facultativos, e incluso puede ocurrir que sólo tengan al olivo como soporte o refugio habitual. El objetivo de este trabajo fue determinar la microbiota presente en el agroecosistema olivo del Valle Central de la provincia, para sumar conocimientos sobre la diversidad fúngica existente y su capacidad de producir enfermedades sobre el olivo. Para ello, se tomaron muestras de suelo y de material vegetal de cinco fincas del Valle Central (Dptos. Capayán y Valle Viejo). Las muestras recolectadas a campo fueron procesadas en laboratorio, siguiendo técnicas de rutina para la siembra y aislamiento de hongos, con las cuales se obtuvieron 28 cepas aisladas. Se seleccionaron 25 cepas, las cuales fueron acondicionadas y enviadas para su identificación mediante secuenciación génica a través de la empresa MacroGen (República de Corea). Las 3 restantes fueron identificadas mediante la observación microscópica de sus estructuras morfológicas, empleando claves taxonómicas para la identificación de hongos, a nivel de género. Al carecer de importancia a los fines de este trabajo, estas cepas no fueron consideradas para su envío e identificación molecular. Como resultado se obtuvo la identificación de 23 hongos, ya que 2 de las cepas enviadas fueron descartadas por problemas en la secuenciación. La mayoría de ellos (76,92%) pertenecen a la división Ascomycota, representada por las clases Dothideomycetes (40%), Sordariomycetes (50%) y



Eurotiomycetes (10%). Un 15,38 % de los organismos identificados permanecen desconocidos en cuanto a su taxonomía; un 3,84% corresponde a la división Basidiomycota, clase Agaricomycetes, y un 3,84% corresponde a la división Zigomycota, clase Mucorales. Actualmente, se continúa investigando sobre la potencialidad patogénica que estos organismos pudieran tener sobre el olivo.